



التوصيف الجزيئي لجين عامل النخر السرطاني - ألفا ($TNF\alpha$)
في الجاموس النهري المصري

[27]

محمد مغاوري أبو العينين¹ - كريمة فتحي محروس¹ - محمد عبد السلام راشد² -
محمود أحمد عبد الحفيظ سلام²

1- قسم بيولوجيا الخلية - المركز القومي للبحوث- الجيزة - مصر
2- قسم الوراثة - كلية الزراعة - جامعة عين شمس - القاهرة - مصر

طريقة PCR-RFLP أن جميع الحيوانات المختبرة لها الطراز الجيني CC و لم يتم اكتشاف الأليل T. وقد تم تحديد التتابع النيوكليوتيدي للمنطقة المكثرة عند مقارنته بالتتابعات المسجلة في بنك الجينات إتضح أن التتابع المدروس في الجاموس على مستوى الDNA والأحماض الأمينية له درجة عالية من التشابه مع الأبقار مقارنة بالتشابه مع الماعز والأغنام والإنسان والفئران. من ناحية أخرى تم اكتشاف 3 من ال SNPs بين التتابع المدروس وتتابعات الجاموس لنفس المنطقة المسجلة في بنك الجينات. كانت 2 من ال SNPs تقع في المنطقة المشفرة و لم تغير في تتابعات الأحماض الأمينية في حين ان ال SNP الثالثة تقع في المنطقة غير المشفرة في الطرف 3'. وفي النهاية تم دراسة تأثير ال SNPs على التتابعات المؤثرة في عملية ال splicing والشكل الفراغي لل-mRNA الأولي والناضج.

الكلمات الدالة: الجاموس النهري المصري، عامل النخر السرطاني، ألفا، تعدد أشكال طول القطعة المحددة، تعدد أشكال للنيوكليوتيدة المفردة.

الموجز

يلعب بروتين $TNF\alpha$ دور هام في تنظيم الجهاز المناعي و يؤثر في الكفاءة التناسلية للإناث. يهدف هذا البحث لدراسة بعض مظاهر تعدد أشكال النيوكليوتيدات المفردة (SNP) في جين $TNF\alpha$ وتأثيراتها المحتملة على خصوبة إناث الجاموس. تم إستخلاص الDNA من عينات الدم المأخوذة من 81 من إناث الجاموس و تم اكنار منطقة طولها 592 قاعدة من جين $TNF\alpha$ بواسطة تقنية الPCR ثم تم معاملتها بانزيم القطع المتخصص RsaI. وقد أظهرت